附件3：

**会议摘要格式参考**

西北太平洋等边浅蛤的冰期避难所与冰期后扩散的分子证据

（长的摘要自成一整页面）

吕锋骅1，2, 林岿璇1，3, 陈万东4, Joram M. Mwacharo5, 韩洁1\*

（1北京师范大学生命科学学院，教育部生物多样性与生态工程重点实验室；2中国科学院动物研究所，动物生态与保护生物学重点实验室；3中国环境科学研究院；4南麂列岛国家级海洋自然保护区；5英国诺丁汉大学遗传与基因组学中心）

\*通讯作者: [jiehan@bnu.edu.cn](mailto:jiehan@bnu.edu.cn)

本研究采用线粒体细胞色素c氧化酶亚单位I（COI）和核糖体RNA转录单元内间隔区1（ITS1）两个DNA序列分子标记，对西北太平洋等边浅蛤（*Macridiscus* Dall, 1902）的分子系统地理学模式进行了分析，并将其与上新世末期和更新世冰期造成的海平面下降事件相关联，探讨了造成等边浅蛤物种形成和分化的历史因素。对分布于黄海、东海和南海10个种群共302个个体的研究表明，等边浅蛤的线粒体和核基因均明确地分成两个单倍型组（定义为haplogroup A和haplogroup B），其中haplogroup A只分布在黄海，而haplogroup B则分布在东海和南海，haplogroup B还同时表现为两个支系（定义为lineage 1和lineage 2）。 综合本研究和GenBank数据库中的COI和ITS1序列数据进行分析，并结合等边浅蛤的分类学研究结果，发现haplogroup A 是最近描述的新种*M. multifarius*，而haplogroup B的lineage 1和lineage 2是*M*. *semicancellata*的两个支系。对系统分化时间的推测表明，*M*. *multifarius*和*M*. *semicancellata*的分化时间大约是在上新世向更新世的过渡期，而*M*. *semicancellata*两个支系的分化时间是在更新世。本研究的结果说明，*M*. *multifarius*和*M*. *semicancellata*及其两个支系起源于冰期海平面下降后西北太平洋不同的边缘海避难所，并且在冰期后进行了长距离的扩散。分布于东海和南海的*M*. *semicancellata*的两个支系的分子地理系统模式显示二者在冰期后的混合十分频繁。本项目得到了XXX资金的资助。

马来穿山甲的繁殖参数

张富华，吴诗宝\*，杨立，张莉，孙儒泳

（华南师范大学生命科学学院 广州 510631）

\*通讯作者：wushibao@163.com

种群繁殖参数是研究种群生命表，分析种群动态，预测种群未来发展趋势必需的基础资料，也是野生动物人工种群科学管理的依据。马来穿山甲的繁殖参数资料一直是个空缺。本文根据2010年6月至2013年8月在华南师范大学穿山甲人工救护与驯养繁育研究基地搜集到的24头马来穿山甲孕兽繁殖资料，对该物种的繁殖季节、怀孕期、性成熟年龄、胎仔数、出生性比、哺乳期等繁殖参数进行了分析整理。认为马来穿山甲全年均可繁殖，没有明显的繁殖季节；怀孕期不少于158d，可能为180d左右；孕兽平均体重3.49 ±0.90kg（1.75～5.54kg，n=24），性成熟年龄最小为6~7月龄，一般为10~12月龄；每胎产1仔（n=22），出生性比为1:1（n=18）；哺乳期4~5个月（n=5），断奶时仔兽的体重为1.56±0.31kg(1.45~1.89kg，n=5)。

（短的摘要两篇合成一整页面）

圈养黇鹿（*Dama dama*）对四种常见苗木叶片适口性浅析

张鹏骞，张林源，钟震宇\*，王丽斌

（北京麋鹿生态实验中心，北京，100076）

\*通讯作者：zhyzh@milupark.org.cn

本研究以黇鹿为实验对象，选取北方常见榆树、刺槐、垂柳及毛白杨等4种树种新鲜叶片作为饲料，对其适口性进行分析。通过对黇鹿采食量及叶片干物质含量(DM%)、粗蛋白质含量(CP%)、酸性洗涤木质素(ADL%)、酸洗纤维(ADF%)、中洗纤维(NDF%)进行测定，发现黇鹿在试验期间对叶片的选择为榆树叶＞刺槐叶＞垂柳叶＞毛白杨＞紫花苜蓿；影响其对叶片选择的因素是多种多样的，但NDF含量与采食量成正比，ADF含量与采食量亦成正比。